

# 疾病における遺伝子変化の網羅的解析

名古屋大学医学系研究科 氏名 西村建徳

目的 がんをはじめとした疾病の作用機序の解明

内容 病態モデルでコントロール群と治療群を設定し、両者でRNAの網羅的解析を行う。そして、その結果から両者で差がある遺伝子やパスウェイを同定する。

結果 治療結果の起因となる遺伝子やシグナル伝達経路を明らかにし、治療有効性のproof of conceptを得た。  
がんについては治療結果の起因となる遺伝子の同定に至っておらず、引き続き解析を行っていく。

利用した計算機 SQUID 汎用CPUノード群